

Сообщение на коде aw

В типе закодированного сообщения указана [аминокислотная последовательность](#). Это сообщение, состоящее из букв G, A, V, I, L, P, S, T, C, M, D, N, E, Q, K, R, H, F, Y, W — аминокислот.

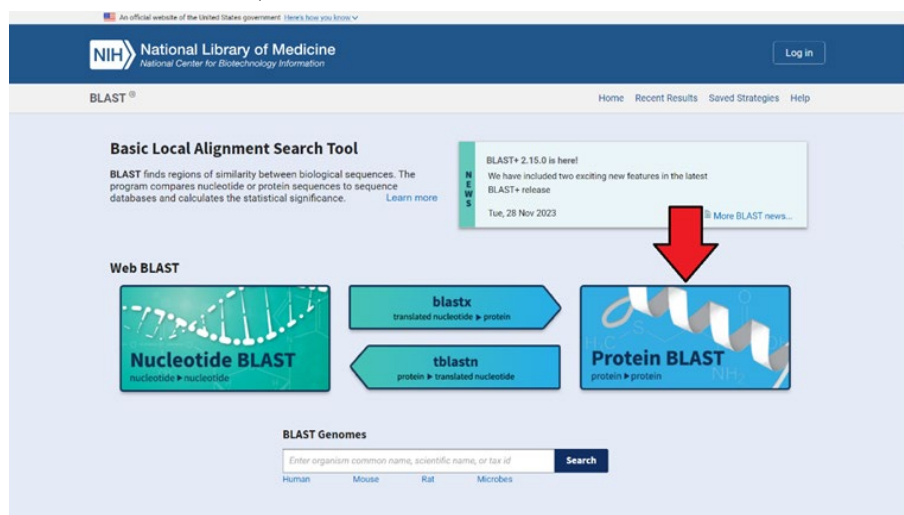
Пример такого сообщения:

ALLGAQRQPPRQPPPPRTHDKWEAHSFHSASPDFTFDTQSNTAATPSSTAETSTETLRV.

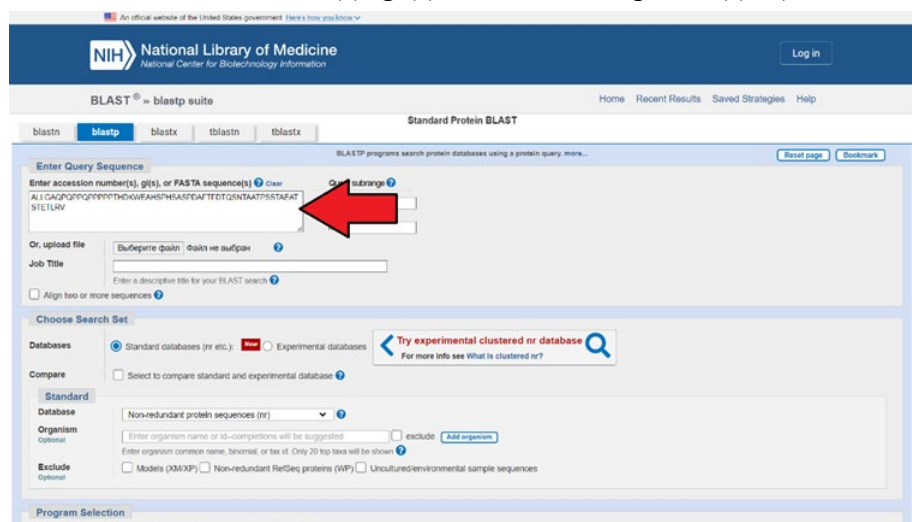
На всех дисках этих кодов сообщения содержат куски аминокислотных последовательностей из белков животных, растений, бактерий.

Последовательность работы

1. Декодируем любой диск этих кодов и выписываем сообщение, которое получили.
2. Заходим на сайт [BLAST](https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi) (<https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi>) и переходим по кнопке «Protein BLAST» (поиск по аминокислотным последовательностям).



3. Введите последовательность (сообщение с диска) в поле «Enter accession number(s), gi(s), or FASTA sequence(s)» («Введите последовательность»).



4. Пролитайте страницу вниз, нажмите на кнопку «BLAST». Начнётся поиск по архиву — это может занять от нескольких секунд до 5 минут.

Enter accession number(s), gi(s), or FASTA sequence(s) [Clear](#) [Query subrange](#)

From To

Or, upload file [Выберите файл](#) [Файл не выбран](#) [?](#)

Job Title

☐ Align two or more sequences [?](#)

Choose Search Set

Databases ☒ Standard databases (nr etc.) [New](#) ☐ Experimental databases [Try experimental clustered nr database](#) [For more info see What is clustered nr?](#)

Compare ☐ Select to compare standard and experimental database [?](#)

Standard

Database [?](#)

Organism [Add organism](#)

Exclude ☐ Models (XModel) ☐ Non-redundant RefSeq proteins (WPI) ☐ Uncultured/environmental sample sequences

Program Selection

Align ☒ Quick BLASTP (Accelerated protein-protein BLAST) ☐ blastp (protein-protein BLAST) ☐ PSI-BLAST (Position-Specific Iterated BLAST) ☐ PHI-BLAST (Pattern Hit Initiated BLAST) ☐ DELTA-BLAST (Domain Enhanced Lookup Time Accelerated BLAST)

Choose a BLAST algorithm [?](#)

BLAST [Search database nr using Blastp \(protein-protein BLAST\)](#) ☐ Show results in a new window

5. Когда поиск закончится, вы увидите экран с результатом, и в нём поле «Sequences producing significant alignments» («Последовательности, производящие значительные выравнивания» — они встраиваются в полную последовательность белка). Если последовательность была декодирована верно, то в первой строке — самом подходящем варианте — в столбике «Scientific Name» («Научное название»).

BLAST® » blastp suite » results for RID-SK9HHDXV013

Home Recent Results Saved Strategies Help

[Edit Search](#) [Save Search](#) [Search Summary](#) [How to read this report?](#) [BLAST Help Videos](#) [Back to Traditional Results Page](#)

Job Title Protein Sequence

RID SK9HHDXV013 Search expires on 06-01 18:28 pm [Download All](#)

Program BLASTP [Citation](#)

Database nr [See details](#)

Query ID IclQuery_9141341

Description unnamed protein product

Molecule type amino acid

Query Length 60

Other reports [Distance tree of results](#) [Multiple alignment](#) [MSA viewer](#) [?](#)

Filter Results

Organism only top 20 will appear ☐ exclude

Type common name, binomial, taxid or group name

[Add organism](#)

Percent Identity to E value to Query Coverage to

[Filter](#) [Reset](#)

Descriptions Graphic Summary Alignments Taxonomy

Sequences producing significant alignments [Download](#) [Select columns](#) [Show](#) 100 [?](#)

☒ select all 100 sequences selected [GenPept](#) [Graphics](#) [Distance tree of results](#) [Multiple alignment](#) [MSA Viewer](#)

Description	Scientific Name	Max Score	Total Score	Query Cover	E value	Per Ident	Acc. Len	Accession
☒ nuclear hormone receptor FTZ-F1 [Bombyx mori]	Bombyx mori	123	123	100%	5e-31	100.00%	534	NP_001037520.2
☒ nuclear hormone receptor FTZ-F1 isoform X6 [Bombyx mori]	Bombyx mori	123	123	100%	8e-31	100.00%	554	XP_02529552.1

6. Введите научное название в Google (рекомендуется) или Яндекс и посмотрите название на русском языке — это и будет ответом.

Google Bombyx mori

Все Картины Видео Покупки Новости Ещё Инструменты

Совет. Посмотреть результаты только на русском языке. Подробнее о фильтрации по языку...

Тутовый шелкопряд

Насекомые

ЛIFE CYCLE OF A SILK MOTH

YouTube • Growing Him

Soothing Silk Sericulture - lifecycle of a silkworm (bombyx mori)

Raising silkworms (bombyx mori) at home from egg to adult moth. There is...

1 oct 2021

Продолжительность... 42 - 56 дней

Взрослая... Шелкопряды

Animal Diversity ADW: Bombyx mori: INFORMATION - Animal Diversity Web

Википедия

https://ru.wikipedia.org/wiki/Тутовый_шелкопряд

Тутовый шелкопряд

Тутовый шелкопряд (лат. *Bombyx mori*) — бабочка из семейства настоящие шелкопряды, производящие шёлк. Происхождение в Китае около 6000 лет назад. Википедия

Сведения

Тутовый шелкопряд — бабочка из семейства настоящие шелкопряды, производящие шёлк. Одомашнен в Китае около 5000 лет назад. Википедия