## Сообщение на коде рw

В этом коде в типе закодированного сообщения указана нуклеотидная последовательность. Это сообщение, состоящее из букв: А (Аденин), Т (Тимин), С (Гуанин), С (Цитозин) — нуклеиновых оснований.

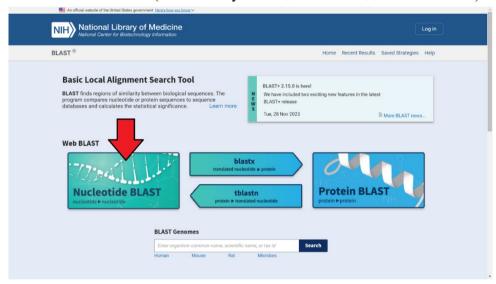
## Пример такого сообщения:

TTACCATTCATGAGGGCCTTGAACAAGGGTGCAGTGGAAGTGACCTTGTTCCACCAGTGA.

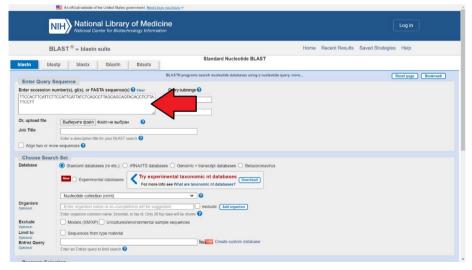
На всех дисках этих кодов сообщения содержат отрезки нуклеотидных последовательностей из ДНК животных.

## Последовательность работы

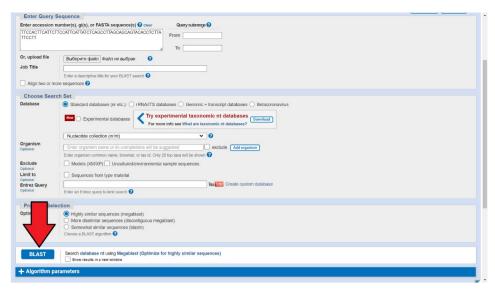
- 1. Декодируем любой диск этих кодов и выписываем сообщение, которое получили.
- 2. Заходим на сайт <u>BLAST</u> (https://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi) и переходим по кнопке «Nucleotide BLAST» (поиск по нуклеотидным последовательностям).



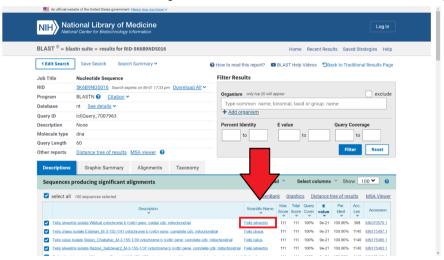
3. Введите последовательность (сообщение с диска) в поле «Enter accession number(s), gi(s), or FASTA sequence(s)» («Введите последовательность»).



4. Пролистайте страницу вниз, нажмите на кнопку «BLAST». Начнётся поиск по архиву — это может занять от нескольких секунд до 5 минут.



5. Когда поиск закончится, вы увидите экран с результатом, и в нём раздел «Sequences producing significant alignments» («Последовательности, производящие значительные выравнивания» — они встраиваются в полную последовательность какого-то гена, хромосомы и т.д.). Если последовательность была декодирована верно, то в первой строке — самом подходящем варианте — в столбике «Scientific Name» («Научное название»).



6. Введите научное название в Google (рекомендуется) или Яндекс и посмотрите название на русском языке — это и будет ответом.

